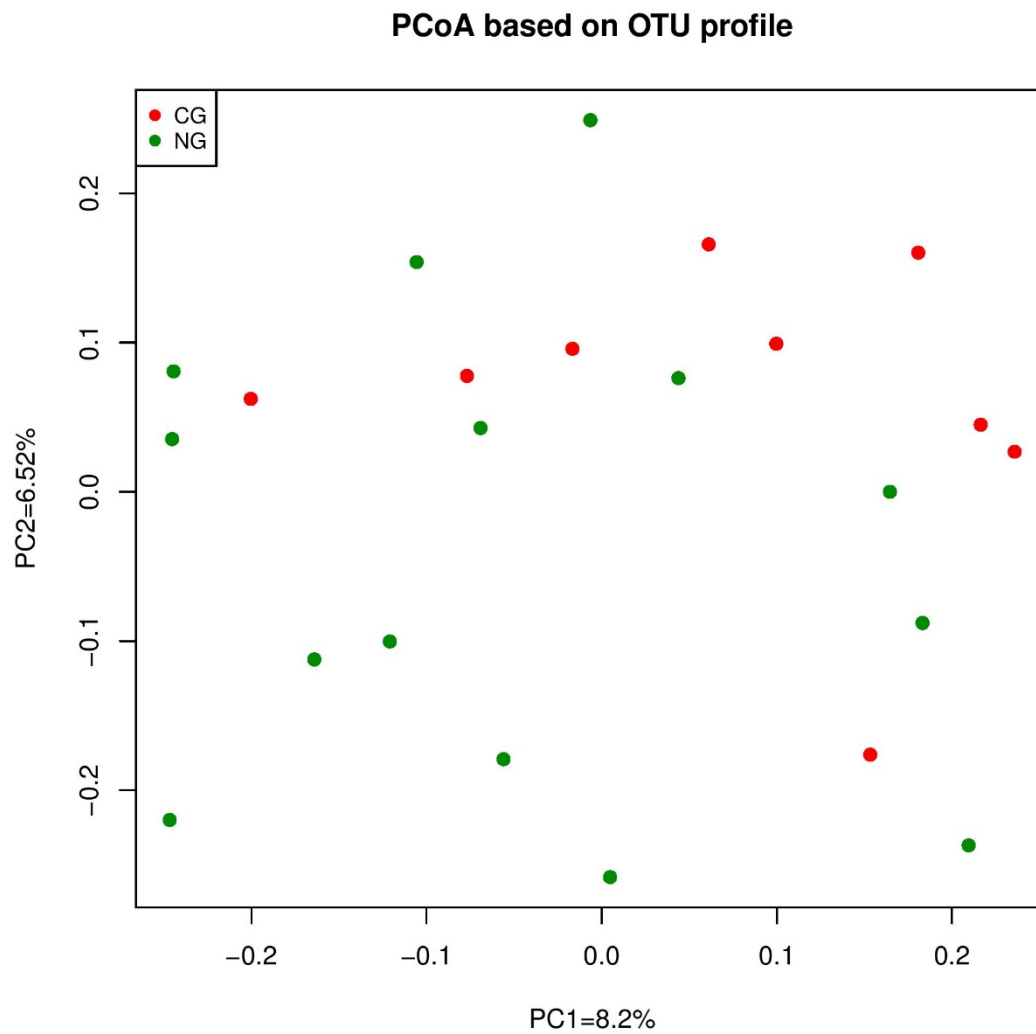
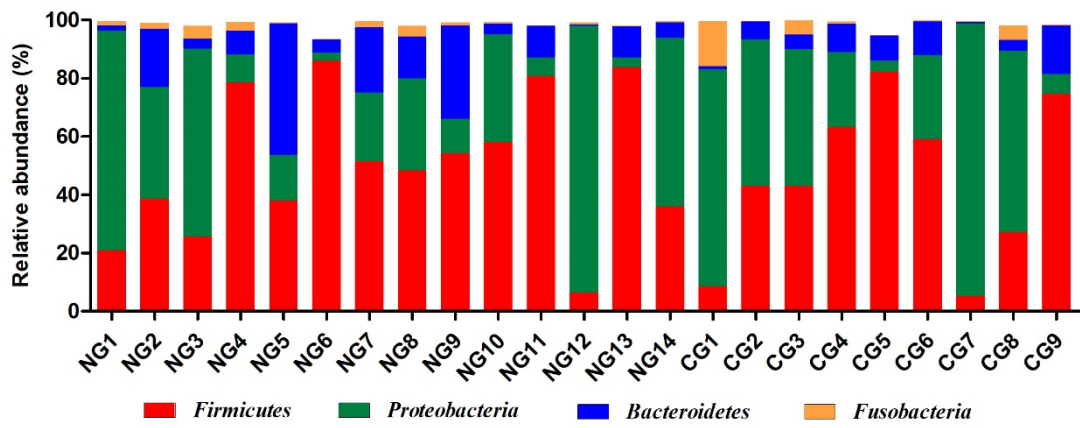


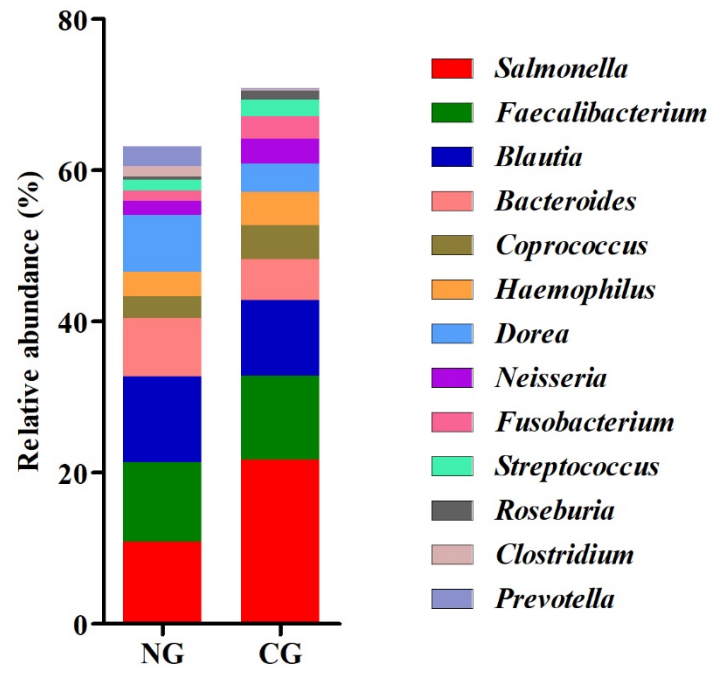
Supplementary Figures



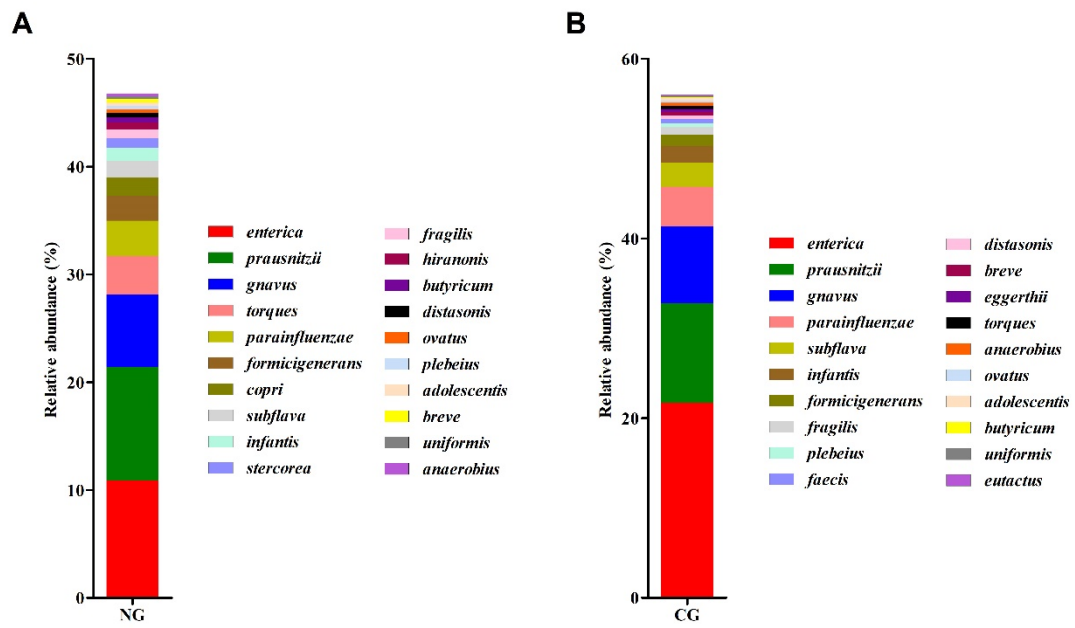
Supplementary Figure 1. An unweighted UniFrac principal coordinate analysis (PCoA) scores plot based on the OTUs of each sample. Samples collected from different groups are labelled with different colours.



Supplementary Figure 2. Histogram represents the relative abundance of bacterial phyla in microbiota of each sample.



Supplementary Figure 3. The compositions of the dominating genera of bacteria for each group.



Supplementary Figure 4. The 20 most abundant bacterial species in each group. (A) Normal group, (B) CRC group.

Supplementary Tables

Supplementary Table 1. The clinical and pathological features of the 23 subjects included in the study.

	Gender	Age	Height (cm)	Weight (kg)	BMI (kg/m ²)	Drinking history	Drug use in the past one month	Smoking history	Past history	Family history	The cause of colonoscopy	Endoscopic diagnosis
Normal group												
NG1	M	28	165	48	17.6	No	No	No	No	No	Constipation	Normal
NG2	F	32	163	52	19.6	No	No	No	No	No	Constipation	Normal
NG3	F	32	158	50	20.0	No	No	No	No	No	Abdominal pain	Normal
NG4	M	41	168	70	24.8	No	No	No	No	No	Left lower abdominal discomfort	Normal
NG5	M	55	160	60	23.4	Occasionally	Omeprazole	No	No	No	Abdominal pain	Normal
NG6	M	48	168	65	23.0	No	Omeprazole and rebamipide	No	No	No	Abdominal pain	Normal
NG7	F	58	157	51	20.7	No	No	No	No	No	Diarrhea	Normal
NG8	F	43	162	50	19.1	No	No	No	No	No	Physical examination	Normal
NG9	F	58	156	60	24.7	No	No	No	No	No	Right lower quadrant pain, diarrhea	Normal
NG10	F	75	148	61	27.8	No	No	No	No	No	Abdominal distention	Normal
NG11	M	55	175	70	22.9	No	No	40y, 8/d	No	No	OB (+)	Normal
NG12	M	32	165	60	22.0	15y, 500mL/d	No	17y, 5-7/d	No	No	Occasional bloody stool	Normal
NG13	M	42	173	66	22.1	No	No	No	No	No	Change in bowel habits	Normal
NG14	F	19	160	53	20.7	No	No	No	No	No	Constipation	Normal
Cancer group												
CG1	M	60	180	70	21.6	40y, 400mL/d	No	40y, 2	No	No	Bloody stool	Rectal cancer

CG2	M	62	172	72	24.3	Occasionally	No	packages/d 34y, half package/d	No	Brother with colon cancer	Bloody stool	Colon cancer
CG3	M	63	170	65	22.5	Occasionally	Valsartan	No	No	No	Abdominal pain	Colon cancer
CG4	F	55	160	55	21.5	No	No	No	No	No	Bloody stool	Rectal cancer
CG5	F	70	157	55	22.3	No	No	No	Postoperative rectal cancer	No	Physical examination	Colon cancer
CG6	M	73	169	53	18.6	No	No	No	No	Father with colon cancer	Abdominal distention	Colon cancer
CG7	M	67	174	80	26.4	No	Metoprolol	No	No	No	Irregular defecate	Colon cancer
CG8	M	44	168	65	23.0	20y, 50mL/d	No	No	No	No	Bloody stool	Rectal cancer
CG9	F	69	154	50	21.1	No	Aspirin	No	No	No	Bloody stool	Rectal cancer

Supplementary Table 2. LEfSe results.

Biomaker names	Logarithm	Groups	LDA value	P value
	value			
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Alphaproteobacteria.o__Rhizobiales.f__Hyphomicrobiaceae.g__Devosia	2.92	CG	2.58	0.008
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Alphaproteobacteria.o__Rhizobiales.f__Hyphomicrobiaceae	2.92	CG	2.58	0.008
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Alphaproteobacteria.o__Rhizobiales	3.00	CG	2.61	0.012
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Alphaproteobacteria	3.06	CG	2.65	0.020
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Flavobacteriia.o__Flavobacteriales.f__Weeksellaceae.g__Chryseobacterium	1.55	CG	3.07	0.024
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Bacilli.o__Bacillales.f__Paenibacillaceae	1.61	CG	2.72	0.024
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Bacilli.o__Bacillales.f__Paenibacillaceae.g__Paenibacillus	1.61	CG	2.70	0.024
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Bacteroidia.o__Bacteroidales.f__Prevotellaceae.g__Prevotella.s__stercorea	4.25	NG	3.94	0.001
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Bacteroidia.o__Bacteroidales.f__Prevotellaceae.g__Prevotella.s__copri	4.50	NG	4.21	0.006
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Bacteroidia.o__Bacteroidales.f__Prevotellaceae	4.79	NG	4.48	0.006
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Bacteroidia.o__Bacteroidales.f__Prevotellaceae.g__Prevotella	4.71	NG	4.40	0.007
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Erysipelotrichi.o__Erysipelotrichales.f__Erysipelotrichaceae.g__Eubacterium	3.57	NG	3.31	0.009
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Enterobacteriales.f__Enterobacteriaceae.g__Klebsiella	3.26	NG	2.94	0.014
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Deltaproteobacteria.o__Desulfovibrionales	3.73	NG	3.37	0.014
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Deltaproteobacteria	3.73	NG	3.37	0.017
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Deltaproteobacteria.o__Desulfovibrionales.f__Desulfovibrionaceae	3.71	NG	3.35	0.017
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Clostridia.o__Clostridiales.f__Clostridiaceae.g__02d06	2.99	NG	2.71	0.018
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Clostridia.o__Clostridiales.f__Lachnospiraceae.g__Blautia.s__producta	3.55	NG	3.08	0.023
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Clostridia.o__Clostridiales.f__Veillonellaceae.g__Phascolarctobacterium	3.18	NG	2.87	0.027

k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Clostridiaceae	4.44	NG	4.08	0.038
k_Bacteria.p_Fusobacteria.c_Fusobacteriia.o_Fusobacteriales.f_Leptotrichiaceae.g_Leptotrichia	3.30	NG	2.91	0.038
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Clostridiaceae.g_Clostridium.s_hiranonis	4.12	NG	3.84	0.050
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Mogibacteriaceae.g_Mogibacterium	1.66	NG	2.85	0.050
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae.g_Serratia	1.50	NG	2.68	0.050
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae.g_Salmonella	5.61			-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Erysipelotrichi.o_Erysipelotrichales.f_Erysipelotrichaceae.g_Eubacterium.s_biforme	1.08			-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pseudomonadales.f_Pseudomonadaceae.g_Pseudomonas.s_viridiflava	0.71			-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Bacteroidaceae.g_Bacteroides.s_coprophilus	2.27			-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Bacteroidaceae.g_Bacteroides.s_coprosuis	2.43			-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Veillonellaceae.g_Mitsuokella.s_multacida	1.24			-
k_Bacteria.p_Synergistetes.c_Synergistia.o_Synergistales.f_Synergistaceae.g_Synergistes	2.32			-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Porphyrimonadaceae.g_Parabacteroides	4.24			-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Clostridiaceae.g_Clostridium.s_perfringens	3.50			-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Neisseriales.f_Neisseriaceae.g_Neisseria	4.78			-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Xanthomonadales.f_Xanthomonadaceae.g_Dyella.s_ginsengisoli	1.66			-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales	5.40			-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Clostridiaceae.g_Clostridium.s_neonatale	2.35			-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Xanthomonadales.f_Xanthomonadaceae.g_Stenotrophomonas	0.94			-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Oxalobacteraceae.g_Cupriavidus.s_gilardii	0.94			-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Neisseriales.f_Neisseriaceae.g_Conchiformibius.s_kuhniae	1.98			-
k_Bacteria.p_Synergistetes.c_Synergistia.o_Synergistales.f_Dethiosulfovibrionaceae.g_TG5	0.77			-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Prevotellaceae.g_Prevotella.s_nanceiensis	1.90			-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Sphingomonadales.f_Sphingomonadaceae.g_Sphingobium.s_yanoikuyae	1.11			-

k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Moryella.s_indoligenes	1.99	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Veillonellaceae.g_Propionispora	1.68	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rickettsiales.f_Rickettsiaceae.g_Rickettsia.s_Rickettsia_endosymbiont_of_Deronectes_platynotus	0.94	-
k_Bacteria.p_Fusobacteria.c_Fusobacteriia.o_Fusobacteriales.f_Leptotrichiaceae.g_Sneathia	1.24	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Streptococcaceae	4.60	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Burkholderiaceae.g_Lautropia	2.06	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Bacteroidaceae.g_Bacteroides.s_uniformis	3.75	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Lactobacillaceae.g_Lactobacillus	1.24	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Methylobacteriaceae.g_Methylobacterium	0.98	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Deltaproteobacteria.o_Desulfovibrionales.f_Desulfovibrionaceae.g_Desulfovibrio.s_D168	1.01	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Sphingomonadales.f_Sphingomonadaceae.g_Sphingomonas.s_azotifigens	1.32	-
k_Bacteria.p_TM7.c_TM7_3.o_CW040.f_F16	1.38	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Deltaproteobacteria.o_Desulfovibrionales.f_Desulfovibrionaceae.g_Desulfovibrio	3.31	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Clostridiaceae.g_Clostridium.s_butyricum	3.95	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia.o_Coriobacteriales.f_Coriobacteriaceae.g_Adlercreutzia	2.10	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Prevotellaceae.g_Paraprevotella	3.51	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Comamonadaceae.g_Aquabacterium	2.24	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Streptococcaceae.g_Streptococcus.s_infantis	4.52	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Micrococcaceae	3.38	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Dorea	5.17	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Micrococcaceae.g_Nesterenkonia	1.42	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Micrococcaceae.g_Rothia.s_mucilaginosa	3.35	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria	5.92	-

k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Enterobacteriales.f__Enterobacteriaceae.g__Gluconacetobacter	1.29	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Pasteurellales.f__Pasteurellaceae.g__Actinobacillus	2.52	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Alphaproteobacteria.o__Rhizobiales.f__Xanthobacteraceae	0.94	-
k_Bacteria.p__Actinobacteria.c__Actinobacteria.o__Actinomycetales.f__Propionibacteriaceae	1.04	-
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Bacilli.o__Lactobacillales.f__Enterococcaceae.g__Enterococcus.s__casseliflavus	1.19	-
k_Bacteria.p__Fusobacteria	4.75	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Xanthomonadales.f__Xanthomonadaceae.g__Stenotrophomonas.s__retroflexus	0.43	-
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Clostridia.o__Clostridiales.f__Lachnospiraceae.g__Coprococcus.s__eutactus	3.36	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Pasteurellales	5.12	-
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Clostridia.o__Clostridiales.f__Christensenellaceae.g__Christensenella	1.56	-
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Clostridia.o__Clostridiales.f__Lachnospiraceae.g__Blautia.s__torques	4.82	-
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Bacteroidia.o__Bacteroidales.f__Bacteroidaceae.g__Bacteroides.s__ovatus	3.80	-
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Bacilli.o__Turicibacterales.f__Turicibacteraceae	2.53	-
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Flavobacteriia	3.52	-
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Clostridia.o__Clostridiales.f__Peptostreptococcaceae	4.16	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Betaproteobacteria.o__Burkholderiales.f__Alcaligenaceae.g__Achromobacter	0.94	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Alphaproteobacteria.o__Rhizobiales.f__Rhizobiaceae.g__Agrobacterium	1.63	-
k_Bacteria.p__Actinobacteria.c__Actinobacteria.o__Bifidobacteriales.f__Bifidobacteriaceae.g__Bifidobacterium.s__breve	3.86	-
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Bacteroidia.o__Bacteroidales.f__Barnesiellaceae	2.86	-
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Clostridia.o__Clostridiales.f__Ruminococcaceae.g__Ruminococcus	4.12	-
k_Bacteria.p__Tenericutes.c__Mollicutes	2.22	-
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Clostridia.o__Clostridiales.f__Clostridiaceae.g__Clostridium.s__thermopalmarium	0.43	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Cardiobacteriales.f__Cardiobacteriaceae.g__Cardiobacterium.s__valvarum	1.29	-
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Flavobacteriia.o__Flavobacteriales.f__Weeksellaceae.g__Riemerella	3.07	-

k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Anaerostipes	3.25	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Sphingomonadales	1.83	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Bacteroidaceae.g_Bacteroides.s_eggerthii	3.83	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Flavobacteriia.o_Flavobacteriales	3.52	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Epsilonproteobacteria.o_Campylobacterales.f_Campylobacteraceae.g_Campylobacter.s_fetus	0.91	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Clostridiaceae.g_Clostridium.s_intestinale	1.00	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Epsilonproteobacteria.o_Campylobacterales.f_Campylobacteraceae.g_Campylobacter	3.09	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Ruminococcaceae.g_Ruminococcus.s_bromii	0.79	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Flavobacteriia.o_Flavobacteriales.f_Flavobacteriaceae.g_Capnocytophaga.s_canimorsus	1.72	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Deltaproteobacteria.o_Desulfovibrionales.f_Desulfomicrobiaceae.g_Desulfomicrobium	2.39	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Rubrobacteria.o_Rubrobacterales	0.94	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Lactobacillaceae.g_Lactobacillus.s_helveticus	0.95	-
k_Bacteria.p_Synergistetes.c_Synergistia.o_Synergistales.f_Dethiosulfovibrionaceae.g_Pyramidobacter	2.41	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Veillonellaceae.g_Veillonella	2.89	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Turcibacterales	2.53	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Erysipelotrichi.o_Erysipelotrichales.f_Erysipelotrichaceae.g_Catenibacterium	2.46	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Neisseriales.f_Neisseriaceae	4.78	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Oceanospirillales.f_Halomonadaceae	2.64	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Deltaproteobacteria.o_Syntrophobacterales.f_Syntrophobacteraceae	0.94	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes	5.40	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia.o_Coriobacteriales	3.51	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Epsilonproteobacteria.o_Campylobacterales.f_Campylobacteraceae.g_Campylobacter.s_rectus	2.09	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Veillonellaceae.g_Dialister	4.06	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae.g_Providencia	1.28	-

k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Porphyrimonadaceae.g_Paludibacter	0.97	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Peptostreptococcaceae.g_Filifactor	2.64	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Peptococcaceae.g_rc4_4	1.27	-
k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_Spirochaetes.o_Spirochaetales.f_Spirochaetaceae.g_Treponema	2.40	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Veillonellaceae.g_Megamonas.s_hypermegale	0.89	-
k_Bacteria.p_Tenericutes.c_Mollicutes.o_Acholeplasmatales.f_Acholeplasmataceae.g_Acholeplasma	1.61	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Syntrophomonadaceae	1.64	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Gemellales	3.69	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Bacteroidaceae.g_Bacteroides.s_caccae	3.18	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Methylobacteriaceae.g_Methylobacterium.s_komagatae	0.98	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Bradyrhizobiaceae.g_Bradyrhizobium	0.94	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Sphingomonadales.f_Sphingomonadaceae	1.83	-
k_Bacteria.p_Synergistetes.c_Synergistia.o_Synergistales.f_Dethiosulfovibrionaceae.g_Pyramidobacter.s_piscolens	2.41	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Burkholderiaceae	2.06	-
k_Bacteria.p_Tenericutes.c_Mollicutes.o_Acholeplasmatales.f_Acholeplasmataceae	1.61	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pseudomonadales	3.15	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Carnobacteriaceae.g_Granulicatella	3.52	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Oxalobacteraceae.g_Cupriavidus	0.94	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Alteromonadales.f_Shewanellaceae.g_Shewanella.s_amazonensis	0.94	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Bacteroidaceae	5.18	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rickettsiales.f_Rickettsiaceae.g_Rickettsia	0.94	-
k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_Spirochaetes.o_Spirochaetales.f_Spirochaetaceae	2.40	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Alteromonadales.f_Shewanellaceae.g_Shewanella.s_pacifica	2.53	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Actinomycetaceae.g_Mobiluncus	1.23	-

k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Ruminococcaceae.g_Faecalibacterium.s_prausnitzii	5.32	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Moryella	2.57	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Ruminococcaceae.g_Ruminococcus.s_flavefaciens	2.64	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Erysipelotrichi	3.75	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Comamonadaceae.g_Hylemonella	0.73	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Sphingomonadales.f_Sphingomonadaceae.g_Novosphingobium	1.24	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Thermoleophilia	0.94	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Lachnospira	3.79	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Bacillales.f_Bacillaceae.g_Anoxybacillus.s_kestanbolensis	1.63	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia	3.51	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Cellulomonadaceae	0.94	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae.g_Proteus	1.64	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia	5.40	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Prevotellaceae.g_Prevotella.s_pallens	2.19	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Odoribacteraceae	3.57	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Aerococcaceae.g_Facklamia	0.70	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Alcaligenaceae	4.19	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Rubrobacteria.o_Rubrobacteriales.f_Rubrobacteraceae.g_Rubrobacter	0.94	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Leuconostocaceae	0.85	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia.o_Coriobacteriales.f_Coriobacteriaceae.g_Collinsella	3.33	-
k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_Spirochaetes.o_Spirochaetales.f_Spirochaetaceae.g_Treponema.s_socranskii	1.35	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Bacillales.f_Staphylococcaceae.g_Staphylococcus	0.94	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia.o_Coriobacteriales.f_Coriobacteriaceae.g_Atopobium.s_rimae	1.79	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia.o_Coriobacteriales.f_Coriobacteriaceae.g_Collinsella.s_aerofaciens	3.20	-

k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_Spirochaetes.o_Spirochaetales.f_Spirochaetaceae.g_Treponema.s_amylovorum	1.67	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Porphyrimonadaceae.g_Porphyrimonas.s_endodontalis	2.32	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria	4.34	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae.g_Klebsiella.s_oxytoca	1.38	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Erysipelotrichi.o_Erysipelotrichales.f_Erysipelotrichaceae	3.75	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Peptostreptococcaceae.g_Peptostreptococcus.s_anaerobius	3.80	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Phyllobacteriaceae.g_Chelativorans	1.81	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Tissierellaceae	3.85	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhodobacterales.f_Rhodobacteraceae	1.24	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Mogibacteriaceae.g_Anaerovorax	2.60	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Comamonadaceae.g_Comamonas	4.28	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Micrococcaceae.g_Rothia.s_dentocariosa	0.63	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Neisseriales.f_Neisseriaceae.g_Eikenella	2.23	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Porphyrimonadaceae.g_Porphyrimonas	3.03	-
k_Bacteria.p_Firmicutes	5.99	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Propionibacteriaceae.g_Propionibacterium	0.71	-
k_Bacteria	7.00	-
k_Bacteria.p_Verrucomicrobia.c_Spartobacteria.o_Chthoniobacterales	0.91	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Erysipelotrichi.o_Erysipelotrichales.f_Erysipelotrichaceae.g_Catenibacterium.s_mitsuokai	2.46	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Clostridiaceae.g_Clostridium.s_subterminale	1.12	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Flavobacteriia.o_Flavobacteriales.f_Flavobacteriaceae.g_Capnocytophaga.s_ochracea	1.95	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rickettsiales.f_Rickettsiaceae	0.94	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pseudomonadales.f_Moraxellaceae.g_Moraxella	1.40	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pasteurellales.f_Pasteurellaceae.g_Pasteurella.s_multocida	1.14	-

k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Erysipelotrichi.o_Erysipelotrichales.f_Erysipelotrichaceae.g_Eubacterium.s_cylindroides	1.81	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Micrococcaceae.g_Rothia.s_aeria	1.63	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pseudomonadales.f_Pseudomonadaceae.g_Pseudomonas	2.57	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Propionibacteriaceae.g_Luteococcus	0.77	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Alteromonadales.f_Shewanellaceae.g_Shewanella	2.71	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_RF32	1.62	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Bifidobacteriales.f_Bifidobacteriaceae.g_Bifidobacterium.s_animalis	1.47	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Micrococcaceae.g_Renibacterium	1.60	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Epsilonproteobacteria.o_Campylobacteriales	3.29	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Eubacteriaceae.g_Pseudoramibacter_Eubacterium	2.38	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Neisseriales.f_Neisseriaceae.g_Neisseria.s_cinerea	1.16	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Erysipelotrichi.o_Erysipelotrichales.f_Erysipelotrichaceae.g_Holdemania	2.05	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Oceanospirillales.f_Oceanospirillaceae	0.79	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Turicibacteriales.f_Turicibacteraceae.g_Turicibacter	2.53	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Blautia	5.33	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Leuconostocaceae.g_Leuconostoc	0.63	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Cardiobacteriales	1.40	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Comamonadaceae.g_Pelomonas	1.99	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Alcaligenaceae.g_Sutterella	4.19	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Ruminococcaceae.g_Ethanoligenens	1.89	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Blautia.s_gnavus	5.21	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Veillonellaceae.g_Megamonas	3.12	-
k_Bacteria.p_Fusobacteria.c_Fusobacteriia.o_Fusobacteriales.f_Leptotrichiaceae.g_Streptobacillus.s_moniliformis	0.73	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Leuconostocaceae.g_Leuconostoc.s_mesenteroides	0.63	-

k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Neisseriales	4.78	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Ruminococcaceae.g_Oscillospira	4.20	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Clostridiaceae.g_Clostridium	4.41	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Alteromonadales	2.71	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Tissierellaceae.g_Peptoniphilus	1.78	-
k_Bacteria.p_Synergistetes.c_Synergistia.o_Synergistales.f_Synergistaceae	2.58	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Veillonellaceae.g_Megasphaera	2.50	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae.g_Gluconacetobacter.s_liquefaciens	1.29	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Lactobacillaceae	1.24	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Leuconostocaceae.g_Weissella	0.43	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Rhizobiaceae	1.73	-
k_Bacteria.p_Synergistetes	2.81	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Rikenellaceae.g_PW3	0.81	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pseudomonadales.f_Pseudomonadaceae.g_Pseudomonas.s_alcaligenes	2.54	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Veillonellaceae.g_Veillonella.s_parvula	2.89	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Epsilonproteobacteria.o_Campylobacteriales.f_Campylobacteraceae	3.16	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Corynebacteriaceae.g_Corynebacterium	3.32	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Sphingomonadales.f_Sphingomonadaceae.g_Sphingomonas.s_echinoides	1.53	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rickettsiales	0.94	-
k_Bacteria.p_Verrucomicrobia.c_Spartobacteria	0.91	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Erysipelotrichi.o_Erysipelotrichales	3.75	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Actinomycetaceae	3.12	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Comamonadaceae.g_Xenophilus	1.14	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Tissierellaceae.g_Finegoldia	1.41	-

k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia.o_Coriobacteriales.f_Coriobacteriaceae.g_Eggerthella.s_lenta	2.19	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Prevotellaceae.g_Prevotella.s_nigrescens	1.21	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae	5.79	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Aeromonadales.f_Aeromonadaceae.g_Tolumonas	0.78	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Bacillales.f_Staphylococcaceae	0.94	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pasteurellales.f_Pasteurellaceae.g_Aggregatibacter.s_segnis	0.96	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Epsilonproteobacteria.o_Campylobacteriales.f_Campylobacteraceae.g_Campylobacter.s_ureolyticus	1.39	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Sphingomonadales.f_Sphingomonadaceae.g_Sphingobium	1.11	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Oribacterium	3.12	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Thermoleophilia.o_Gaiellales.f_Gaiellaceae	0.94	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae.g_Enterobacter.s_cowanii	3.04	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Ruminococcaceae.g_Ruminococcus.s_callidus	2.76	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Flavobacteriia.o_Flavobacteriales.f_Flavobacteriaceae	2.65	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Epsilonproteobacteria.o_Campylobacteriales.f_Helicobacteraceae	2.71	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Gemellales.f_Gemellaceae	3.69	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Oceanospirillales.f_Halomonadaceae.g_Halomonas	2.64	-
k_Bacteria.p_Lentisphaerae.c_Lentisphaeria	1.14	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Bifidobacteriales.f_Bifidobacteriaceae.g_Bifidobacterium.s_adolescentis	3.75	-
k_Bacteria.p_Fusobacteria.c_Fusobacteriia.o_Fusobacteriales.f_Leptotrichiaceae	3.30	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Comamonadaceae.g_Pelomonas.s_puraquae	1.99	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Thermoleophilia.o_Gaiellales	0.94	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Lachnobacterium	2.76	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Epulopiscium	2.55	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Streptococcaceae.g_Streptococcus.s_minor	1.71	-

k_Bacteria.p_TM7.c_TM7_3	1.63	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Deltaproteobacteria.o_Desulfovibrionales.f_Desulfomicrobiaceae	2.39	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Pseudonocardiaceae	0.94	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Syntrophomonadaceae.g_Syntrophomonas	1.64	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Oceanospirillales	2.64	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Ruminococcaceae.g_Faecalibacterium	5.32	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Rhizobiaceae.g_Rhizobium.s_multihospitium	0.69	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Rhizobiaceae.g_Sinorhizobium	0.94	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pasteurellales.f_Pasteurellaceae.g_Haemophilus.s_parainfluenzae	4.91	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Sphingomonadales.f_Sphingomonadaceae.g_Sphingomonas	1.70	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Bradyrhizobiaceae	0.94	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Streptococcaceae.g_Lactococcus	1.56	-
k_Bacteria.p_Synergistetes.c_Synergistia.o_Synergistales	2.81	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae.g_Erwinia.s_toletana	0.43	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Erysipelotrichi.o_Erysipelotrichales.f_Erysipelotrichaceae.g_Bulleidia	2.24	-
k_Bacteria.p_Spirochaetes	2.43	-
k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_Spirochaetes.o_Spirochaetales.f_Spirochaetaceae.g_Treponema.s_phagedenis	1.02	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Dorea.s_formicigenerans	4.65	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Neisseriales.f_Neisseriaceae.g_Conchiformibius	1.98	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Bifidobacteriales.f_Bifidobacteriaceae.g_Bifidobacterium.s_bifidum	2.70	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Xanthomonadales.f_Xanthomonadaceae.g_Xylella	0.91	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Tissierellaceae.g_Anaerococcus	0.94	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Cellulomonadaceae.g_Cellulomonas	0.94	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pseudomonadales.f_Moraxellaceae.g_Acinetobacter	3.01	-

k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Ruminococcaceae.g_Oscillospira.s_guilliermondii	1.32	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae.g_Erwinia	1.79	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Caulobacterales.f_Caulobacteraceae.g_Brevundimonas	1.10	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Clostridiaceae.g_SMB53	2.27	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Erysipelotrichi.o_Erysipelotrichales.f_Erysipelotrichaceae.g_Coprobacillus	3.39	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Christensenellaceae	3.09	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Eubacteriaceae.g_Anaerofustis	1.68	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Bifidobacteriales.f_Bifidobacteriaceae	4.09	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Coprococcus	4.93	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pasteurellales.f_Pasteurellaceae.g_Actinobacillus.s_paraaemolyticus	2.52	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Bifidobacteriales	4.09	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Leuconostocaceae.g_Weissella.s_viridescens	0.43	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Caulobacterales.f_Caulobacteraceae.g_Brevundimonas.s_diminuta	1.10	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Epsilonproteobacteria.o_Campylobacterales.f_Helicobacteraceae.g_Helicobacter.s_pylori	2.71	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia.o_Coriobacteriales.f_Coriobacteriaceae	3.51	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Butyrivibrio	1.91	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Porphyrimonadaceae.g_Parabacteroides.s_distasonis	3.91	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Methylobacteriaceae	0.98	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Peptococcaceae.g_Peptococcus	2.05	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pasteurellales.f_Pasteurellaceae.g_Pasteurella	1.14	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Tissierellaceae.g_Parvimonas	3.84	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Comamonadaceae	4.28	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Erysipelotrichi.o_Erysipelotrichales.f_Erysipelotrichaceae.g_Bulleidia.s_moorei	2.22	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Caulobacterales.f_Caulobacteraceae	1.24	-

k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_Spirochaetes.o_Sphaerochaetales	0.77	-
k_Bacteria.p_Tenericutes	2.22	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Oxalobacteraceae	1.61	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Bacillales.f_Bacillaceae.g_Anoxybacillus	1.63	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Porphyrimonadaceae.g_Parabacteroides.s_gordonii	3.04	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pasteurellales.f_Pasteurellaceae.g_Haemophilus.s_influenzae	1.91	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Bifidobacteriales.f_Bifidobacteriaceae.g_Alloscardovia	1.46	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia.o_Coriobacteriales.f_Coriobacteriaceae.g_Slackia	1.08	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Enterococcaceae	1.26	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Eubacteriaceae	2.46	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Ruminococcaceae.g_Anaerotruncus	2.03	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pasteurellales.f_Pasteurellaceae	5.12	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Xanthomonadales.f_Xanthomonadaceae	1.89	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Veillonellaceae	4.19	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Shuttleworthia	2.87	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Bifidobacteriales.f_Bifidobacteriaceae.g_Bifidobacterium	4.09	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Micrococcaceae.g_Rothia	3.35	-
k_Bacteria.p_TM7	1.63	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Bacteroidaceae.g_Bacteroides	5.18	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae	5.79	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Veillonellaceae.g_Selenomonas	0.73	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Bradyrhizobiaceae.g_Bradyrhizobium.s_elkanii	0.94	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Xanthobacteraceae.g_Xanthobacter	0.94	-
k_Bacteria.p_Tenericutes.c_Mollicutes.o_Mycoplasmatales.f_Mycoplasmataceae.g_Mycoplasma.s_zalophi	1.41	-

k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Blautia.s_obeum	3.25	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria	4.27	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Micrococcaceae.g_Arthrobacter	0.94	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia.o_Coriobacteriales.f_Coriobacteriaceae.g_Eggerthella	2.19	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Corynebacteriaceae	3.32	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia.o_Coriobacteriales.f_Coriobacteriaceae.g_Atopobium	2.80	-
k_Bacteria.p_Tenericutes.c_Mollicutes.o_Acholeplasmatales	1.61	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Bacillales.f_Bacillaceae.g_Bacillus	1.38	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Bacillales.f_Bacillaceae	1.63	-
k_Bacteria.p_Synergistetes.c_Synergistia	2.81	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pasteurellales.f_Pasteurellaceae.g_Haemophilus	4.91	-
k_Bacteria.p_Tenericutes.c_Mollicutes.o_Mycoplasmatales.f_Mycoplasmataceae.g_Mycoplasma	1.86	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales	5.96	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Prevotellaceae.g_Prevotella.s_tannerae	2.15	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Bacteroidaceae.g_Bacteroides.s_plebeius	3.94	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Phyllobacteriaceae	1.92	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Xanthomonadales	1.89	-
k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_Spirochaetes	2.43	-
k_Bacteria.p_TM7.c_TM7_3.o_EW055	0.89	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Xanthomonadales.f_Xanthomonadaceae.g_Xylella.s_fastidiosa	0.91	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Deltaproteobacteria.o_Syntrophobacterales	0.94	-
k_Bacteria.p_Synergistetes.c_Synergistia.o_Synergistales.f_Dethiosulfovibrionaceae	2.42	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Ruminococcaceae	5.38	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Actinomycetaceae.g_Actinomyces	3.11	-

k_Bacteria.p_Fusobacteria.c_Fusobacteriia	4.75	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Gemellales.f_Gemellaceae.g_Gemella	3.69	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Peptococcaceae	2.11	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Odoribacteraceae.g_Butyricimonas	2.59	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Rhizobiales.f_Xanthobacteraceae.g_Xanthobacter.s_autotrophicus	0.94	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Bifidobacteriales.f_Bifidobacteriaceae.g_Bifidobacterium.s_longum	2.12	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Streptococcaceae.g_Streptococcus.s_agalactiae	2.35	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Roseburia.s_faecis	3.89	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Catonella	2.23	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pseudomonadales.f_Pseudomonadaceae.g_Pseudomonas.s_fragi	1.44	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Oxalobacteraceae.g_Oxalobacter.s_formigenes	1.50	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales	4.64	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Neisseriales.f_Neisseriaceae.g_Neisseria.s_subflava	4.69	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Neisseriales.f_Neisseriaceae.g_Vitreoscilla	2.31	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia	5.96	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Bacillales.f_Bacillaceae.g_Bacillus.s_safensis	0.70	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Flavobacteriia.o_Flavobacteriales.f_Flavobacteriaceae.g_Capnocytophaga	2.62	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Peptostreptococcaceae.g_Peptostreptococcus	3.80	-
k_Bacteria.p_Verrucomicrobia	0.91	-
k_Bacteria.p_TM7.c_TM7_3.o_CW040	1.38	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Epsilonproteobacteria.o_Campylobacteriales.f_Helicobacteraceae.g_Helicobacter	2.71	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Mogibacteriaceae	2.97	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Flavobacteriia.o_Flavobacteriales.f_Weeksellaceae	3.47	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Epsilonproteobacteria.o_Campylobacteriales.f_Campylobacteraceae.g_Arcobacter	2.31	-

k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales	4.54	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Roseburia	4.35	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Rikenellaceae	3.75	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Tissierellaceae.g_WAL_1855D	1.40	-
k_Bacteria.p_SRI	1.41	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Prevotellaceae.g_Prevotella.s_intermedia	1.88	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Rubrobacteria	0.94	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria	4.85	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pseudomonadales.f_Moraxellaceae.g_Enhydrobacter	1.41	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Bacillales	1.97	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Porphyrimonadaceae	4.25	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae.g_Erwinia.s_oleae	0.43	-
k_Bacteria.p_Bacteroidetes.c_Bacteroidia.o_Bacteroidales.f_Odoribacteraceae.g_Odoribacter	3.52	-
k_Bacteria.p_Tenericutes.c_Mollicutes.o_RF39	1.73	-
k_Bacteria.p_Fusobacteria.c_Fusobacteriia.o_Fusobacteriales	4.75	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_OPB41	1.06	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Ruminococcaceae.g_Anaerofilum	0.89	-
k_Bacteria.p_Fusobacteria.c_Fusobacteriia.o_Fusobacteriales.f_Leptotrichiaceae.g_Streptobacillus	0.73	-
k_Bacteria.p_Fusobacteria.c_Fusobacteriia.o_Fusobacteriales.f_Fusobacteriaceae	4.74	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Corynebacteriaceae.g_Corynebacterium.s_durum	1.58	-
k_Bacteria.p_Tenericutes.c_Mollicutes.o_Mycoplasmatales.f_Mycoplasmataceae	1.86	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Streptococcaceae.g_Streptococcus.s_anginosus	2.48	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Alteromonadales.f_Shewanellaceae.g_Shewanella.s_algae	2.14	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli	4.81	-

k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pasteurellales.f_Pasteurellaceae.g_Aggregatibacter	1.58	-
k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_Spirochaetes.o_Spirochaetales	2.40	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Erysipelotrichi.o_Erysipelotrichales.f_Erysipelotrichaceae.g_Eubacterium.s_dolichum	2.11	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Bifidobacteriales.f_Bifidobacteriaceae.g_Scardovia	1.24	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Caulobacterales.f_Caulobacteraceae.g_Mycoplana	0.94	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pseudomonadales.f_Moraxellaceae.s_venetianus	1.51	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Lachnospiraceae.g_Coproccoccus.s_catus	3.40	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales.f_Propionibacteriaceae.g_Propionibacterium.s_acnes	0.71	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae.g_Citrobacter	1.29	-
k_Bacteria.p_Lentisphaerae.c_Lentisphaeria.o_Victivallales.f_Victivallaceae	1.14	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales.f_Enterobacteriaceae.g_Salmonella.s_enterica	5.61	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Bifidobacteriales.f_Bifidobacteriaceae.g_Bifidobacterium.s_thermacidophilum	1.30	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia.o_Coriobacteriales.f_Coriobacteriaceae.g_Coriobacterium	2.17	-
k_Bacteria.p_Synergistetes.c_Synergistia.o_Synergistales.f_Synergistaceae.g_Cloacibacillus	2.23	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Pseudomonadales.f_Moraxellaceae	3.02	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Streptococcaceae.g_Streptococcus	4.60	-
k_Bacteria.p_Fusobacteria.c_Fusobacteriia.o_Fusobacteriales.f_Fusobacteriaceae.g_Fusobacterium	4.74	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Aeromonadales	3.51	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Lactobacillaceae.g_Lactobacillus.s_salivarius	0.94	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Rubrobacteria.o_Rubrobacteriales.f_Rubrobacteraceae	0.94	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Coriobacteriia.o_Coriobacteriales.f_Coriobacteriaceae.g_Collinsella.s_stercoris	2.71	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Cardiobacteriales.f_Cardiobacteriaceae.g_Cardiobacterium	1.40	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Xanthomonadales.f_Xanthomonadaceae.g_Stenotrophomonas.s_geniculata	0.94	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Veillonellaceae.g_Mitsuokella	1.37	-

k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Enterobacteriales.f__Enterobacteriaceae.g__Enterobacter	3.04	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Alphaproteobacteria.o__Rhizobiales.f__Rhizobiaceae.g__Rhizobium	0.69	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria	5.88	-
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Bacilli.o__Lactobacillales.f__Carnobacteriaceae	3.52	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Xanthomonadales.f__Xanthomonadaceae.g__Dyella	1.66	-
k_Bacteria.p__Actinobacteria.c__Actinobacteria.o__Actinomycetales.f__Micrococcaceae.g__Arthrobacter.s__crystallopoietes	0.77	-
k_Bacteria.p__Actinobacteria.c__Actinobacteria.o__Actinomycetales.f__Actinomycetaceae.g__Actinomyces.s__hyovaginalis	1.48	-
k_Bacteria.p__Lentisphaerae.c__Lentisphaeria.o__Victivallales	1.14	-
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Bacteroidia.o__Bacteroidales.f__Bacteroidaceae.g__Bacteroides.s__fragilis	4.22	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Pseudomonadales.f__Pseudomonadaceae	2.57	-
k_Bacteria.p__Tenericutes.c__Mollicutes.o__Mycoplasmatales	1.86	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Alteromonadales.f__Shewanellaceae	2.71	-
k_Bacteria.p__Lentisphaerae	1.14	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Aeromonadales.f__Aeromonadaceae	3.51	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Pasteurellales.f__Pasteurellaceae.g__Aggregatibacter.s__pneumotropica	1.16	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Deltaproteobacteria.o__Desulfovibrionales.f__Desulfovibrionaceae.g__Bilophila	3.48	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Betaproteobacteria.o__Neisseriales.f__Neisseriaceae.g__Kingella	1.16	-
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Bacilli.o__Lactobacillales.f__Lactobacillaceae.g__Lactobacillus.s__mucosae	0.94	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Gammaproteobacteria.o__Cardiobacteriales.f__Cardiobacteriaceae	1.40	-
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Bacteroidia.o__Bacteroidales.f__Porphyromonadaceae.g__Tannerella	0.77	-
k_Bacteria.p__Proteobacteria.c__Alphaproteobacteria.o__Rhodobacterales	1.24	-
k_Bacteria.p__Firmicutes.c__Erysipelotrichi.o__Erysipelotrichales.f__Erysipelotrichaceae.g__Coprobacillus.s__cateniformis	1.84	-
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Bacteroidia.o__Bacteroidales.f__Prevotellaceae.g__Prevotella.s__melaninogenica	2.31	-
k_Bacteria.p__Bacteroidetes.c__Bacteroidia.o__Bacteroidales.f__S24_7	1.39	-

k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Enterococcaceae.g_Enterococcus	1.19	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Gammaproteobacteria.o_Enterobacteriales	5.79	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Alphaproteobacteria.o_Caulobacterales	1.24	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Epsilonproteobacteria	3.29	-
k_Bacteria.p_Actinobacteria.c_Actinobacteria.o_Actinomycetales	3.76	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Bacillales.f_Staphylococcaceae.g_Staphylococcus.s_epidermidis	0.94	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Clostridia.o_Clostridiales.f_Clostridiaceae.g_Sarcina	1.44	-
k_Bacteria.p_Firmicutes.c_Bacilli.o_Lactobacillales.f_Aerococcaceae	0.70	-
k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_Spirochaetes.o_Sphaerochaetales.f_Sphaerochaetaceae	0.77	-
k_Bacteria.p_Spirochaetes.c_Spirochaetes.o_Sphaerochaetales.f_Sphaerochaetaceae.g_Sphaerochaeta	0.77	-
k_Bacteria.p_Proteobacteria.c_Betaproteobacteria.o_Burkholderiales.f_Oxalobacteraceae.g_Oxalobacter	1.50	-
